

## КОНФЕРЕНЦИЯ ПО БИОИНФОРМАТИКЕ

**16 июля в Доме ученых СО РАН (новосибирский Академгородок) открылась конференция по биоинформатике регуляции и структуры генома (BGRS'2006), организованная лабораторией теоретической генетики Института цитологии и генетики СО РАН (председатель организационного комитета чл.-корр РАН Н. Колчанов). Это уже пятая по счету конференция BGRS за последние 10 лет.**

Проведение конференции позволит широко осветить вопросы развития нового поколения методов компьютерного и теоретического анализа



и их приложения к задачам организации геномов, эволюционной и системной биологии, а также

новейших исследований в этих областях науки.



Среди вопросов, рассматривающихся на 5 секциях конференции — структурные и функциональные характеристики ДНК, РНК и белков; регуляция процессов считывания информации с ДНК; моделирование и предсказание структуры и функции белков; молекулярная динамика ДНК, РНК и белков; эволюция геномов, белков, генных сетей; моделирование и анализ



генных сетей и метаболических путей; моделирование электронной (виртуальной) живой клетки, разработка информационно-компьютерных технологий для хранения, аннотирования, систематизации и анализа колоссальных объемов экспериментальных данных, получаемых в результате

крупномасштабных молекулярно-биологических и молекулярно-генетических экспериментов.

Работа конференции организована довольно разнопланово: пленарные лекции и устные сообщения, специализированные стендовые сессии, компьютерные демонстрации и демонстрации программного обеспечения. Среди участников конференции свыше 150 ученых из России, стран ближнего и дальнего зарубежья. Свою работу они завершат 22 июля.

Соб. инф.

Фото И. Глотова, «НВС»